



## 中国：感染患者から H7N9 ウィルス変異株みつかる

全球流感资讯网 www.flu.org.cn 2017-02-19 10:49 来源：中国疾病预防控制中心

2017 年 1 月、広東省疾病管理センターが H7N9 患者 2 名のウィルスを分離して遺伝子配列の分析をしたところ、この二株のウィルスの血球凝集素リンカーペプチドに遺伝子挿入の突然変異が見つかったが、この検査結果は、既に中国疾病予防管理センターのウィルス感染症所国家インフルエンザセンターにおいて再検査・確認されている。

中国 CDC の専門家の研究と、農業部門関連専門家との意見交換により、H7N9 ウィルスが血球凝集素リンカーペプチドの遺伝子挿入に変異が発生し、当該ウィルスの鳥類に対する高病原性のウィルスにと突然変異している；第二に、ウィルス配列分析の結果では、当該変異ウィルスにはまだ対人感染力や毒性、ヒトヒト間の伝播能力が増強された突然変異はまだ起きていないとされている。

この患者 2 名には、発症前にいずれも鳥類への暴露歴があり、さらに、その暴露した鳥類グループ中から相次ぎ病死するという現象が起きていた。現在、患者 1 名は既に治癒しており、もう 1 名が治療を受けている。この二人の濃厚接触者 105 名は 2 週間にわたる医学観察を受けているが、発熱や咳などの症状はいまだ現れていない。

H7N9 ウィルスは A 型のインフルエンザウィルスだが、その特徴の一つとして、遺伝子の組換えと突然変異が発生しやすいということがあげられる。ある突然変異ではウィルスの対人感染力や毒性及びヒトヒト間感染能力が強まることもあり、ウィルスの変異には、国内外多くの人から注目されることになる。

情報では、農業部門の実験室でもまた、広東省の鳥類サンプル 4 検体中から類似の変異をしているウィルスが見つかった。中国衛生計生システムは、農業部門とともに協同でこの変異ウィルスの出どころや影響範囲などの研究を行っており、同時に H7N9 ウィルスのモニタリングを強化、いかなる変異の可能性も見落とさないようにしている。

この結果は既に WHO に対し報告されている。

<http://www.flu.org.cn/scn/news-19076.html>

..... 以下は中国語原文 .....

## 中国：从人感染病例中发现 H7N9 病毒变异株

全球流感资讯网 www.flu.org.cn 2017-02-19 10:49 来源：中国疾病预防控制中心

2017 年 1 月、广东省疾控中心对两例人感染 H7N9 病例分离到的病毒分别进行了基因测序分析，发现在该两株病毒的血凝素链接肽位置发生了基因插入性突变，检测结果已经中国中心病毒病所国家流感中心复核确认。

中国中心组织专家研判，并与农业部门相关专家沟通后认为，H7N9 病毒在血凝素链接肽位置发生的基因插入性突变，提示该病毒突变为对禽高致病性的病毒；二是根据病毒序列分析结果，尚未出现该变异病毒发生对人感染力、毒力和人际传播能力增强的突变。

两例病例发病前均有禽暴露史，并在其暴露禽群中先后发生禽只病死现象。目前一例病例已经治愈，另一例仍在救治之中。两病例的全部 105 名密切接触者经过两周医学观察，均未出现发热、咳嗽等不适症状。

H7N9 病毒属甲型流感病毒，其主要特征之一就是容易发生基因重配和突变。有些突变可能导致病毒对人的感染力、毒力以及人际传播能力的增强，因此病毒变异问题一直备受国内外广泛关注。

据了解，农业部门的实验室也从广东的 4 份禽标本中发现类似变异的病毒。中国卫生计生系统将和农业部门一道，共同对该变异病毒的来源、影响范围等进行深入研究，并继续加强对 H7N9 病毒的监测，及时发现其任何可能的变异。

此结果已向世界卫生组织进行了通报。

相关链接：

[http://www.chinacdc.cn/yw\\_9324/201702/t20170219\\_138185.html](http://www.chinacdc.cn/yw_9324/201702/t20170219_138185.html)